

Liste der gültigen Prüfverfahren mit Methodencode
Institut für Lebensmittelsicherheit und –hygiene, Universität Zürich
Akkreditiert nach ISO 17025:2017, Akkr.-Nr. STS0100

Diagnostiklabor Lebensmittel

Matrix	Methoden Code	Messprinzip	Prüfverfahren
Lebensmittel Mikrobiologische Verfahren	13-1	Quantitative Bestimmung von aerobe mesophile Gesamtkeimzahl Gussplattenverfahren	ISO 4833-1
	13-2	Quantitative Bestimmung von aerobe mesophile Gesamtkeimzahl Oberflächenverfahren	ISO 4833-2
	20-1	Qualitativer Nachweis von <i>Enterobacteriaceae</i>	ISO 21528-1
	20-2	Quantitative Bestimmung von <i>Enterobacteriaceae</i>	ISO 21528-2 mod. (SPM-20.15)
	34	Quantitative Bestimmung von <i>Escherichia coli</i>	SPM-34.15 basierend auf RAPID' <i>E.coli</i> 2 Medium von Biorad
	23	Quantitative Bestimmung von Koagulase-positive Staphylokokken	SPM-23.15 basierend auf EASY <i>Staph</i> [®] Medium von Biokar
	27	Quantitative Bestimmung von anaerob wachsende mesophile Milchsäurebakterien	ISO 15214 mod. (SPM-27.15)
	25	Quantitative Bestimmung von sulfit-reduzierende <i>Clostridium</i> spp.	ISO 15213-1 mod. (SPM-25.15)
	26-1	Quantitative Bestimmung von Hefen und Schimmelpilze Produkte mit einem a_w -Wert > 0.95	ISO 21527-1
	26-2	Quantitative Bestimmung von Hefen und Schimmelpilze Produkte mit einem a_w -Wert < 0.95	ISO 21527-2
	24-1	Qualitativer Nachweis von <i>L. monocytogenes</i> und <i>Listeria</i> spp.	ISO 11290-1 mod. (SPM-24.15)
	24-2	Quantitative Bestimmung von <i>L. monocytogenes</i> und <i>Listeria</i> spp.	ISO 11290-2 mod. (SPM-24.15)
	16	Qualitativer Nachweis von Salmonellen	ISO 6579-1 mod. (SPM-16.15)

Matrix	Methoden Code	Messprinzip	Prüfverfahren
Lebensmittel Molekularbiologische Verfahren	03-1	Qualitativer Nachweis mittels Real-time PCR von <i>L. monocytogenes</i>	SPV-03.15 basierend auf Assurance GDS® von Biocontrol
	03-2	Qualitativer Nachweis mittels Real-time PCR von <i>Listeria</i> spp.	SPV-03.15 basierend auf Assurance GDS® von Biocontrol
	03-3	Qualitativer Nachweis mittels Real-time PCR von Salmonellen	SPV-03.15 basierend auf Assurance GDS® von Biocontrol
	03-4	Qualitativer Nachweis mittels Real-time PCR von STEC	SPV-03.15 basierend auf Assurance GDS® von Biocontrol
Mikrobiologische Untersuchungen von Oberflächen, Abklatschverfahren und Tupferproben	06	Agarabklatschverfahren: - aerobe Gesamtkeimzahl	Amtliche Sammlung von Untersuchungsverfahren nach § 64 LFGB: B 80.00-2
		Tupferproben quantitative Bestimmung und qualitativer Nachweis:	Amtliche Sammlung von Untersuchungsverfahren nach § 64 LFGB: B 80.00-1
	13-2	- Quantitative Bestimmung von aerobe mesophile Gesamtkeimzahl Oberflächenverfahren	ISO 4833-2
	20-1	- Qualitativer Nachweis von <i>Enterobacteriaceae</i>	ISO 21528-1
	20-2	- Quantitative Bestimmung von <i>Enterobacteriaceae</i>	ISO 21528-2 mod. (SPM-20.15)
	34	- Quantitative Bestimmung von <i>Escherichia coli</i>	SPM-34.15 basierend auf RAPID'E.coli 2 Medium von Biorad
	23	- Quantitative Bestimmung von Koagulase-positive Staphylokokken	SPM-23.15 basierend auf EASY Staph® Medium von Biokar
	27	- Quantitative Bestimmung von anaerob wachsende mesophile Milchsäurebakterien	ISO 15214 mod. (SPM-27.15)
	24-1	Qualitativer Nachweis von <i>L. monocytogenes</i> und <i>Listeria</i> spp.	ISO 11290-1 mod. (SPM-24.15)
	24-2	Quantitative Bestimmung von <i>L. monocytogenes</i> und <i>Listeria</i> spp.	ISO 11290-2 mod. (SPM-24.15)
	16	Qualitativer Nachweis von Salmonellen	ISO 6579-1 mod. (SPM-16.15)

Matrix	Methoden Code	Messprinzip	Prüfverfahren
Molekularbiologische Untersuchungen von Oberflächen, Tupferproben	03-1	Qualitativer Nachweis mittels Real-time PCR von <i>L. monocytogenes</i>	SPV-03.15 basierend auf Assurance GDS® von Biocontrol
	03-2	Qualitativer Nachweis mittels Real-time PCR von <i>Listeria</i> spp.	SPV-03.15 basierend auf Assurance GDS® von Biocontrol
	03-3	Qualitativer Nachweis mittels Real-time PCR von Salmonellen	SPV-03.15 basierend auf Assurance GDS® von Biocontrol
	03-4	Qualitativer Nachweis mittels Real-time PCR von STEC	SPV-03.15 basierend auf Assurance GDS® von Biocontrol
Mikrobiologische Untersuchungen von Schlachttierkörperoberflächen	13-2	Tupferproben und destruktive Proben (quantitative Bestimmung): - aerobe mesophile Gesamtkeimzahl, Oberflächenverfahren	ISO 4833-2
	20-2	- <i>Enterobacteriaceae</i>	ISO 21528-2 mod. (SPM-20.15)
	16	Kratzschwämme (qualitativer Nachweis): - Salmonellen	ISO 6579-1 mod. (SPM-16.15)
	03-4	- STEC (mittels Real-time PCR)	SPV-03.15 basierend auf Assurance GDS® von Biocontrol
Mikrobiologische Fleischuntersuchung im Rahmen der Fleischuntersuchung	04	Qualitativer Nachweis von aerob (Direktausstrich) und anaerob (Anreicherung) wachsenden Keimen und von Salmonellen (Anreicherung)	Technische Weisungen über Mikrobiologische Fleischuntersuchung (BLV)
Mikrobiologische Untersuchung zur Bestimmung der Trinkwasserqualität nach TBDV des EDI (817.022.11)	09-1	Quantitative Bestimmung: - aerobe mesophile Gesamtkeimzahl	ISO 8199 ISO 6222 mod. (SPV-09.15)
	09-2	Quantitative Bestimmung mittels Membranfiltrationstechnik: - <i>Escherichia coli</i>	ISO 9308-1 mod. (SPV-09.15)
	09-3	- Enterokokken	ISO 7899-2

Matrix	Methoden Code	Messprinzip	Prüfverfahren
Mikrobiologische Untersuchung zur Bestimmung der Trinkwasserqualität	09-4	Quantitative Bestimmung mittels Membranfiltrationstechnik: - Coliforme Keime	ISO 8199 ISO 9308-1 mod. (SPV-09.15)
	09-5	- Präsumptive <i>C. perfringens</i>	ISO 14189 mod. (SPV-09.15)
Milch	38	Biologischer Hemmstoffnachweis	Delvo-Test SP NT (AOAC Methode, Licence Number 011102)

Berücksichtigung der Messunsicherheit von mikrobiologischen Prüfverfahren in der Lebensmittelgesetzgebung

Laut Auskunft des Bundesamtes für Lebensmittelsicherheit und Veterinärwesen ist die Messunsicherheit in den gesetzlich vorgegebenen mikrobiologischen Kriterien inbegriffen.
SAS Dokument 328:2017-11 Rev.04

Nationales Zentrum für enteropathogene Bakterien und Listerien (NENT)

Matrix	Methoden Code	Messprinzip	Prüfverfahren
Stuhlproben Hygieneuntersuchung	30	Qualitativer Nachweis von Salmonellen	SPM-30.15
Isolate	51	Identifizierung und Typisierung von Salmonellen mittels: - Biochemischer Reihen - Serotypisierung	SPM-28.15, SPM-39.15 SPM-39.15
	05	Identifizierung und Typisierung von Salmonellen mittels: - Whole Genome Sequencing (WGS)	SPV-05.15
	52	Identifizierung und Typisierung von Shigellen mittels: - Biochemischer Reihen - Serotypisierung	SPM-28.15, SPM-41.15 SPM-41.15
	05	Identifizierung und Typisierung von Shigellen mittels: - Whole Genome Sequencing (WGS)	SPV-05.15
	53	Identifizierung von <i>Campylobacter</i> spp. mittels: - Biochemischer Reihen	SPM-28.15, SPM-37.15

Matrix	Methoden Code	Messprinzip	Prüfverfahren
Isolate	05	Identifizierung und Typisierung von <i>Campylobacter</i> spp. mittels: - Whole Genome Sequencing (WGS)	SPV-05.15
	55	Identifizierung und Typisierung von <i>Vibrio cholerae</i> mittels: - Biochemischer Reihen - PCR - Serotypisierung	SPM-28.15, SPM-43.15 SPM-45.15, SPM-43.15 SPM-43.15
	05	Identifizierung und Typisierung von <i>Vibrio cholerae</i> mittels: - Whole Genome Sequencing (WGS)	SPV-05.15
	56	Identifizierung von Yersinien mittels: - Biochemischer Reihen - Serotypisierung	SPM-28.15, SPM-44.15 SPM-44.15
	05	Identifizierung und Typisierung von Yersinien mittels: - Whole Genome Sequencing (WGS)	SPV-05.15
	05	Identifizierung und Typisierung von <i>Listeria monocytogenes</i> mittels: - Whole Genome Sequencing (WGS)	SPV-05.15
	05	Identifizierung und Typisierung von STEC mittels: - Whole Genome Sequencing (WGS)	SPV-05.15
Stuhlmischkulturen/ Stuhlproben/ Isolate	57	Multiplex PCR-Nachweis von enterovirulenten <i>E. coli</i> (EVEC)	SPM-31.15, SPM-45.15
	58	PCR-Nachweis EAggEC	SPM-31.15, SPM-45.15

AOAC	Association of Analytical Communities
BLV	Bundesamt für Lebensmittelsicherheit und Veterinärwesen
EAggEC	Enteroaggregative <i>Escherichia coli</i> (EAEC/EAggEC)
GDS	Genetic detection system
ISO	International Organization for Standardization
PCR	Polymerase Chain Reaction
SPM	Standard-Arbeitsanweisung für Prüfmethode
SPV	Standard-Arbeitsanweisung für Prüfverfahren
STEC	Shigatoxin-bildende <i>Escherichia coli</i>
TBDV	Verordnung des EDI über Trinkwasser sowie Wasser in öffentlich zugänglichen Bädern und Duschanlagen